



INCT Hongos de Brasil

POE 3: Planificación, Relevamiento de Demandas y Cotización

Aviso: Este documento fue traducido con el apoyo de IA generativa (Gemini).

Recomendación para la Coordinación y Comité Gestor en Genómica

Objetivo:

Orientar al Comité Gestor en la recopilación de solicitudes de secuenciación de la red, organización de demandas (priorización científica) y estimación de costos (cotización) con la instalación (*facility*) en EE. UU.

1. Relevamiento de Intenciones de Secuenciación

Antes de solicitar la extracción de ADN, el Comité debe mapear las cepas que los investigadores de la red desean secuenciar. Esto permite organizar la logística, optimizar costos y priorizar muestras de alto impacto científico.

Acción: Distribuir la "Planilla 2: Intención de Secuenciación y Demandas" a todos los laboratorios asociados.

Los investigadores deberán consignar información biológica y taxonómica fundamental:

- Género y Especie (si está identificada).
- Si se trata de una especie nueva (*sp. nov.*).

- Si es una cepa Tipo (*Type strain*).
- Estimación del tamaño del genoma (en Mb) – Esencial para calcular la cobertura.
- Justificación resumida del interés científico.

2. Análisis y Selección por el Comité

Con la planilla consolidada, el Comité evaluará las propuestas con base en criterios preestablecidos por el INCT Hongos de Brasil.

Criterios Sugeridos de Priorización:

- **Relevancia Taxonómica:** Cepas Tipo y especies nuevas tienen máxima prioridad para el establecimiento de genomas de referencia.
- **Impacto Biotecnológico/Clínico/Agrícola/Ambiental:** Cepas con potencial aplicativo o relevancia económica y sanitaria.
- **Tamaño del Genoma vs. Presupuesto:** El tamaño del genoma determina el volumen de datos (Gigabases - Gb) necesario para alcanzar la cobertura óptima (p. ej., 50x a 100x). Genomas muy grandes consumen más recursos.
- **Capacidad Operativa:** ¿Posee el laboratorio solicitante la capacidad de extraer ADN con la calidad requerida o necesitará soporte logístico (Hub Regional)?

3. Cotización y Presupuesto con la Facility

Una vez seleccionadas las muestras, el Comité estructurará la solicitud de cotización para la *facility*.

Información Requerida por la Facility:

- **Número total de muestras:** Lo ideal es procesar lotes de 50 a 96 muestras. Lotes superiores a 96 requieren múltiples corridas en la plataforma robótica, añadiendo aproximadamente 1 semana al tiempo de respuesta (*TAT*).
- **Tipo de Librería:** *PCR-free library prep*.
- **Plataforma y Tamaño de Inserto:** Especificar si corresponde a Illumina (p. ej., NovaSeq, PE 150 pb) o tecnologías de lectura larga (PacBio/Nanopore), según el objetivo (borrador vs. genoma cerrado).

- **Volumen de Datos (Output):** Informar los Gb deseados por muestra o el tamaño genómico promedio y la profundidad de cobertura objetivo.

4. Aprobación e Inicio del Flujo de Extracción

Tras la aprobación presupuestaria, el Comité notificará a los laboratorios seleccionados, autorizando el inicio de las extracciones de ADN según las pautas del POE 1 (Manual del Usuario) y activando el Plan de Logística Nacional.



Bioinformatics
Multidisciplinary
Environment



inct
institutos nacionais
de ciência e tecnologia



CNPq
Conselho Nacional de Desenvolvimento
Científico e Tecnológico
60 ANOS

Ministério da
**Ciência, Tecnologia
e Inovação**

GOVERNO FEDERAL
BRASIL
PAÍS RICO É PAÍS SEM POBREZA